

Supplementary TableS3: results of gene-based test by combined analysis of EGEA and SLSJ for the 266 tested genes

Gene	Chr	nSNPs	Pvalue
<b>ATP8A1</b>	4	42	3,43E-04
ATP9B	18	29	1,17E-03
<b>ABCA1</b>	9	80	2,44E-03
DNAH9	17	64	2,89E-03
ATP7B	13	11	8,35E-03
TAP2	6	27	1,07E-02
ATP9A	20	29	1,39E-02
ATAD2B	2	7	1,50E-02
ATP1B1	1	8	2,15E-02
DDX43	6	3	2,68E-02
MYO7A	11	21	3,72E-02
DDX18	2	2	3,73E-02
KIF14	1	6	4,04E-02
ABCC1	16	57	4,25E-02
MYO10	5	71	4,26E-02
ABCF2	7	2	5,43E-02
KIF5C	2	4	5,97E-02
ACTC1	15	2	6,85E-02
MYH3	17	4	7,13E-02
MYH4	17	3	7,14E-02
ATP2C2	16	60	7,67E-02
KIF13B	8	25	7,89E-02
IDE	10	9	7,89E-02
DDX42	17	3	8,19E-02
DDX27	20	2	8,19E-02
MYO18A	17	11	8,69E-02
ATP13A2	1	3	9,89E-02
KIF1A	2	18	1,04E-01
ABCB11	2	59	1,10E-01
KIF21A	12	7	1,11E-01
KIF21B	1	5	1,13E-01
FIGN	2	9	1,13E-01
ATP1A2	1	6	1,15E-01
ABCA10	17	19	1,22E-01
ABCA7	19	7	1,24E-01
DNAH1	3	3	1,27E-01
ABCA8	17	41	1,31E-01
MYO1E	15	31	1,39E-01
ATP2B1	12	7	1,42E-01

ATP5A1	18	4	1,42E-01
ATP8B1	18	27	1,54E-01
INO80	15	4	1,57E-01
KIF3C	2	5	1,66E-01
ATP6V1A	3	3	1,69E-01
ABCD4	14	11	1,70E-01
SPAST	2	2	1,72E-01
ABCC3	17	18	1,83E-01
ABCC5	3	41	1,84E-01
WRNIP1	6	6	1,94E-01
ATP4A	19	3	1,95E-01
ATP2C1	3	6	1,98E-01
KIF25	6	5	2,00E-01
ATP10A	15	58	2,00E-01
CLPX	15	2	2,05E-01
CLPB	11	4	2,07E-01
KIF2A	5	8	2,09E-01
CHD3	17	3	2,10E-01
ABCG8	2	26	2,12E-01
OLA1	2	12	2,14E-01
MYO1D	17	44	2,14E-01
MYH9	22	21	2,14E-01
KIF24	9	7	2,19E-01
VPS4B	18	7	2,24E-01
PEX1	7	2	2,30E-01
KIF11	10	5	2,32E-01
HLTF	3	4	2,36E-01
DHX37	12	7	2,40E-01
DDX24	14	4	2,43E-01
DDX10	11	12	2,46E-01
SUPV3L1	10	2	2,51E-01
ABCD3	1	17	2,59E-01
TOP2B	3	4	2,69E-01
KIF15	3	7	2,71E-01
DNAH7	2	19	2,86E-01
DHX8	17	6	2,94E-01
KIF1C	17	2	3,00E-01
TDRD9	14	12	3,05E-01
ABCG5	2	19	3,07E-01
SMARCA2	9	43	3,14E-01
ATP13A5	3	11	3,18E-01
CENPE	4	8	3,22E-01
ABCC9	12	66	3,27E-01

DHX34	19	3	3,49E-01
ABCG2	4	16	3,55E-01
KIF20B	10	5	3,57E-01
ATP11A	13	28	3,60E-01
FBXO18	10	10	3,62E-01
MSH2	2	6	3,63E-01
NSF	17	5	3,66E-01
UPF1	19	3	3,66E-01
DDX11	12	2	3,70E-01
HELB	12	7	3,76E-01
ABCB5	7	52	3,81E-01
RECQL	12	13	3,81E-01
ATP8A2	13	99	3,98E-01
DDX6	11	5	3,99E-01
RHOBTB3	5	12	4,01E-01
RUVBL2	19	2	4,01E-01
ATP11B	3	6	4,05E-01
KIF2B	17	3	4,05E-01
DNAH11	7	98	4,06E-01
DNAH2	17	17	4,06E-01
RTEL1	20	6	4,06E-01
PEX6	6	3	4,07E-01
ABCA9	17	10	4,12E-01
KIF18A	11	2	4,17E-01
RAD54L2	3	2	4,19E-01
DNA2	10	2	4,19E-01
DDX49	19	2	4,25E-01
RUVBL1	3	2	4,40E-01
ABCB8	7	4	4,41E-01
CHD2	15	26	4,45E-01
DNAH5	5	61	4,47E-01
CHD8	14	3	4,50E-01
VPS4A	16	3	4,54E-01
DHX57	2	9	4,57E-01
MYO3A	10	25	4,74E-01
BLM	15	11	4,76E-01
SMARCA4	19	11	4,77E-01
ATP2A1	16	3	4,84E-01
ABCA4	1	120	4,86E-01
DDX51	12	3	4,96E-01
MYH6	14	5	5,00E-01
ABCA5	17	11	5,00E-01
TAP1	6	2	5,03E-01

DDX25	11	3	5,07E-01
SMARCA5	4	2	5,08E-01
DNAH8	6	68	5,10E-01
DDX55	12	2	5,16E-01
MSH5	6	4	5,27E-01
RAD51B	14	101	5,30E-01
ABCC8	11	64	5,31E-01
LONP1	19	2	5,33E-01
RAD50	5	5	5,34E-01
ERCC6	10	8	5,42E-01
MCM7	7	2	5,50E-01
ABCA6	17	11	5,50E-01
LONP2	16	5	5,53E-01
MYH10	17	7	5,59E-01
ATP8B2	1	5	5,61E-01
ABCC12	16	3	5,69E-01
ATP13A4	3	16	5,70E-01
ATP2B2	3	70	5,70E-01
EIF4A2	3	3	5,70E-01
HSP90AA1	14	5	5,71E-01
DNAH6	2	13	5,73E-01
ASCC3	6	28	5,75E-01
TOR1B	9	3	5,78E-01
ABCB1	7	35	5,81E-01
BRSK2	11	9	5,83E-01
ATP13A1	19	3	5,83E-01
RAD51D	17	2	5,93E-01
MSH4	1	8	5,94E-01
ABCB4	7	16	5,98E-01
MSH6	2	4	5,99E-01
YTHDC2	5	8	6,06E-01
MYH14	19	23	6,08E-01
MIR1273H	4	8	6,09E-01
ATP13A3	3	2	6,11E-01
HSPA8	11	2	6,11E-01
MYH7	14	4	6,12E-01
KIFC3	16	4	6,12E-01
RFC4	3	5	6,15E-01
CHD6	20	17	6,18E-01
DDX59	1	2	6,20E-01
ABCC6	16	19	6,29E-01
RFC1	4	8	6,30E-01
ATAD2	8	3	6,44E-01

KIF27	9	2	6,46E-01
DNAH12	3	31	6,48E-01
KIF26A	14	10	6,55E-01
ATP2A2	12	2	6,60E-01
MLH1	3	5	6,61E-01
KIF3A	5	6	6,66E-01
IGHMBP2	11	6	6,66E-01
TDRD12	19	5	6,67E-01
KIF5B	10	2	6,71E-01
KIF19	17	7	6,76E-01
CHD5	1	10	6,79E-01
KIF16B	20	66	6,86E-01
DDX19A	16	2	6,87E-01
ATAD1	10	3	6,90E-01
DDX4	5	6	6,91E-01
PPP2R4	9	3	6,91E-01
RAD51	15	2	6,91E-01
MDN1	6	22	6,99E-01
RAD54B	8	4	7,06E-01
KATNA1	6	6	7,15E-01
WRN	8	14	7,16E-01
ABCG4	11	3	7,17E-01
ATP8B3	19	7	7,17E-01
KIF1B	1	12	7,18E-01
STARD9	15	10	7,22E-01
CHD1	5	6	7,28E-01
ABCC11	16	5	7,28E-01
KIF26B	1	132	7,34E-01
KIF7	15	2	7,34E-01
DNAH17	17	52	7,42E-01
ERCC2	19	4	7,43E-01
TTF2	1	6	7,48E-01
ATP8B4	15	57	7,60E-01
ABCC4	13	148	7,62E-01
ABCA12	2	39	7,67E-01
BRIP1	17	14	7,68E-01
MOV10L1	22	15	7,68E-01
KATNAL2	18	11	7,81E-01
MSH3	5	29	7,82E-01
KATNAL1	13	13	7,83E-01
DYNC1H1	14	5	7,84E-01
PSMC1	14	3	7,87E-01
DHX29	5	3	7,98E-01

XRCC3	14	2	8,00E-01
ABCC2	10	27	8,03E-01
RAD51C	17	6	8,03E-01
MYO19	17	2	8,05E-01
ABCE1	4	2	8,09E-01
CHD4	12	3	8,09E-01
XRCC5	2	11	8,10E-01
ABCG1	21	51	8,12E-01
PXK	3	8	8,14E-01
ABCA13	7	123	8,17E-01
TOR1A	9	2	8,23E-01
DDX46	5	2	8,25E-01
ABCC10	6	4	8,31E-01
ATP2B4	1	11	8,37E-01
G3BP1	5	2	8,38E-01
ATP12A	13	6	8,39E-01
PMS1	2	4	8,42E-01
CCT8	21	2	8,44E-01
MYO1B	2	13	8,46E-01
PMS2	7	2	8,47E-01
RECQL5	17	2	8,48E-01
KIF5A	12	2	8,57E-01
KIF3B	20	2	8,67E-01
ERCC3	2	4	8,69E-01
SNRNP200	2	3	8,73E-01
KIF13A	6	29	8,79E-01
DDX23	12	3	8,81E-01
ATP10D	4	29	8,89E-01
MYO9B	19	20	8,89E-01
ATP10B	5	44	8,98E-01
DMC1	22	2	9,03E-01
SMARCAL1	2	6	9,04E-01
ATP1A4	1	23	9,07E-01
CHD1L	1	12	9,13E-01
DDX31	9	9	9,14E-01
TOR3A	1	2	9,16E-01
ATP6V1B2	8	3	9,27E-01
DNAH10	12	27	9,29E-01
DHX36	3	2	9,31E-01
KIF6	6	50	9,37E-01
DHX35	20	7	9,38E-01
ABCB10	1	7	9,39E-01
KIF18B	17	4	9,40E-01

DHX15	4	8	9,51E-01
KIF17	1	6	9,53E-01
ABCF3	3	4	9,58E-01
CFTR	7	47	9,60E-01
MYH8	17	3	9,69E-01
ABCD2	12	2	9,73E-01
DDX1	2	4	9,74E-01
ABCA3	16	6	9,75E-01
DYNC2H1	11	41	9,77E-01
ATP2A3	17	8	9,82E-01
POLQ	3	6	9,83E-01
CDK7	5	2	9,96E-01